

AVALIAÇÃO DE FAMÍLIAS DE IRMÃOS COMPLETOS EM MILHO PIPOCA

Moisés Saraiva Ribeiro de Souza¹, Brendo Alves da Silva Souza¹, Valter Jário de Lima²,
Cicero Secifram da Silva³, Silvério de Paiva Freitas Júnior⁴

¹Graduando em Agronomia – UFCA/Crato-CE/Brasil- moisesaraiva@live.com;
²Mestrando em Genética e Melhoramento de Plantas – UENF/Campos dos Goytacazes-
RJ/Brasil. Bolsista CAPES; ³Mestrando Desenvolvimento Regional Sustentável –
UFCA/Juazeiro do Norte-CE/Brasil. Bolsista CAPES ; ⁴Professor Adjunto – Centro de
Ciências Agrárias e da Biodiversidade – UFCA/Crato-CE/Brasil.

O milho pipoca é considerado uma cultura de alto valor econômico além de ser um alimento bastante apreciado pelos brasileiros. Encontrar cultivares que reúnam além de sementes de boa qualidade, boas características agrônômicas associadas às qualidades organolépticas é muito difícil. O presente trabalho objetivou avaliar famílias de irmãos completos em milho pipoca, utilizando o teste de agrupamentos de médias de Scott-Knot, em 5% de probabilidades com a condução do primeiro ciclo de seleção recorrente do genótipo crioulo Dona Iva. O ensaio de competição foi realizado no campo experimental do centro de ciências agrárias e da biodiversidade da Universidade Federal do Cariri, Crato-CE. Foram avaliadas 210 famílias de irmãos completos. O plantio foi realizado em abril de 2014, no delineamento em blocos casualizados com repetições dentro de ‘sets’. Utilizaram-se sete ‘sets’, com duas repetições, sendo que cada ‘set’ com 30 famílias de irmãos completos por ‘set’. O espaçamento utilizado foi de linhas de 5,0 m de comprimento, espaçadas em 1,0 m, com 25 plantas distanciadas em 0,2 m uma da outra, semeando-se três sementes por cova, à profundidade de 0,05 m, sendo que, aos 21 dias após a emergência, foi realizado o desbaste, deixando-se uma planta por cova. Foram avaliadas cinco características agrônômicas, segundo os critérios de Scott-Knot em 5% de probabilidade para as seguintes características: dias para emergência (EMG); dias para florescimento masculino (FLORM); dias para florescimento feminino (FLORF); estande final (NP); proporção de plantas quebradas e de plantas acamadas (TOMB). No que se refere ao número de dias para o florescimento masculino (FLORM) e para o florescimento feminino (FLORM), houve a formação de quatro grupos. As famílias 56 e 125 foram as mais precoces, enquanto as famílias 21, 9 e 28 revelaram-se mais tardias para FLORM. Já para FLORF as famílias 56, 125 e 164 se mostraram mais precoces, enquanto as progênes 9 e 28 foram as mais tardias. As características EMG e TOMB apresentaram medias com baixa magnitude o que é interessante para a seleção de genótipos com menor susceptibilidade ao quebraamento e acamamento. Com base nos resultados notam-se grandes possibilidades de identificação de indivíduos superiores para prosseguimento dos ciclos de seleção recorrente.

Palavras-chave: *Zea mays* L; Seleção recorrente; genótipos crioulo.

Apoio financeiro: CNPq, Funcap, NEFIMP e UFCA.